

*fac simile domanda interpello*

Al Direttore SC Ricerca e  
Selezione Risorse Umane  
ATS Sardegna,  
Via Piero Della Francesca, 1  
09047 Selargius – Cagliari

\_\_l\_\_ sottoscritt\_\_\_\_\_, nat\_\_ a \_\_\_\_\_(Prov.\_\_\_) il \_\_\_\_\_, CF  
\_\_\_\_\_ residente in \_\_\_\_\_, (CAP\_\_\_\_\_), Via\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_, n.\_\_\_\_\_

CHIEDE

di essere ammesso a partecipare all' **INTERPELLO RIVOLTO A PERSONALE A TEMPO  
INDETERMINATO ATS PER LA SELEZIONE DI n. 1 DIRIGENTE INFORMATICO IN  
POSSESSO DI ESPERIENZA NEL CAMPO BIONIFORMATICO DA ASSEGNARE ALLA S.C.  
GENETICA MEDICA P.O. BINAGHI NELL'AMBITO DEL PROGETTO DEL REGISTRO  
REGIONALE DEI DONATORI DI MIDOLLO OSSEO**

A tal fine, ai sensi degli articoli 46 e 47 del d.p.r. n. 445/2000, sotto la propria responsabilità, consapevole delle sanzioni penali in caso di dichiarazioni mendaci, ai sensi di quanto disposto dall'art. 76 del citato d.p.r., dichiara:

- ☐ Di essere cittadin\_ italian\_, salve le equiparazioni stabilite dalle leggi vigenti, o cittadin\_ di uno dei Paesi dell'Unione Europea;
- ☐ Di godere dei diritti civili e politici: non possono accedere agli impieghi coloro che sono stati esclusi dall'elettorato politico attivo;
- ☐ Di non aver riportato condanne penali (ovvero indicare le condanne penali riportate)\_\_\_\_\_;
- ☐ Di non essere cessati dall'impiego presso una pubblica amministrazione per aver conseguito lo stesso mediante la produzione di documenti falsi o viziati da invalidità insanabile;
- ☐ Di essere dipendente a tempo indeterminato di questa Amministrazione nel profilo di Dirigente Informatico presso \_\_\_\_\_ (matr. \_\_\_\_\_);

Dichiara, altresì, di essere in possesso degli ulteriori requisiti specifici:

- ☐ Laurea Magistrale in Informatica conseguita in data \_\_\_\_\_ presso \_\_\_\_\_ con la votazione di \_\_\_\_/\_\_\_\_;

- ☐ Documentata preparazione dell'utilizzo di tecniche di sequenziamento massivo sul DNA (utilizzo di tecnologie di sequenziamento su piattaforme *next generation sequencing*) sia per l'intero esoma che per l'intero genoma (WES e WGS)

\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_;

- ☐ Gestione di programmi di bioinformatica e statistica, con esperienza nell'uso di *software* genetici e strumenti di bioinformatica per l'analisi e l'annotazione dei dati di sequenziamento ad alta processività in particolare *FastQC, Bowtie2, Samtools*;

\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_;

- ☐ Documentata esperienza in sicurezza informatica con analisi dei rischi informatici, in relazione all'analisi e conservazione di dati sensibili;

\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_;

- ☐ Esperienza nello sviluppo di algoritmi basati sul *polygenic risk score*;

\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_  
\_\_\_\_\_;

- ☐ Conoscenza dei linguaggi di programmazione comuni in ambito della bioinformatica e della statistica quali, a titolo esemplificativo, *python3, c++, java, ruby ed "R"*;

- ☐ Conoscenza dei sistemi operativi *Linux/Unix/MacOs*;

- ☐ Conoscenza dei database *SQL e DBMS*.

Si allegano:

1. *Curriculum formativo e professionale dal quale è possibile evincere le esperienze sopra indicate, datato e firmato;*
2. *copia di un documento di identità in corso di validità;*
3. *copia codice fiscale;*
4. *eventuali documentazioni o dichiarazioni sostitutive ex art. dpr 445/2000 comprovanti le esperienze sopra declinate.*

Data \_\_\_\_\_ Firma \_\_\_\_\_

Si autorizza al trattamento dei dati personali esclusivamente per le finalità di cui all'oggetto nel rispetto della normativa in materia, ai sensi del d.lgs. n. 196/2003 e GDPR UE 679/2016.

Data \_\_\_\_\_

Firma \_\_\_\_\_